

0598-068-EXT-SEQ.ST25  
SEQUENCE LISTING

<110> INSTITUT NATIONAL DE LA SANTE ET DE LA  
RECHERCHE MEDICALE (INSERM)

LOUVAIN, Virginie

BIANCHINI, Elsa

MARQUE, Pierre-Emmanuel

CALMEL-TAREAU, Claire

ALACH, Martine

LE BONNIEC, Bernard

<120> THROMBIN CLEAVABLE FACTOR X ANALOGUES

<130> MJPah598/68

<150> FR 02 08299

<151> 2002-07-03

<160> 31

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 6

<212> PRT

<213> Artificial sequence

<220>

<223> Factor X activating site

<400> 1

Leu Thr Arg Ile Val Gly  
1 5

<210> 2

<211> 6

<212> PRT

0598-068-EXT-SEQ.ST25

&lt;213&gt; Artificial

&lt;400&gt; 2

Met Pro Arg Ser Phe Arg  
1 5

&lt;210&gt; 3

&lt;211&gt; 6

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial

&lt;400&gt; 3

Val Pro Arg Ser Phe Arg  
1 5

&lt;210&gt; 4

&lt;211&gt; 6

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial

&lt;400&gt; 4

Thr Arg Arg Ser Val Gly  
1 5

&lt;210&gt; 5

&lt;211&gt; 11

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial

&lt;400&gt; 5

Glu Gln Lys Leu Ile Ser Glu Glu Asp Leu Asn  
1 5 10

&lt;210&gt; 6

&lt;211&gt; 12

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial

0598-068-EXT-SEQ.ST25

&lt;400&gt; 6

Glu	Asp	Gln	Val	Asp	Pro	Arg	Leu	Ile	Asp	Gly	Lys
1				5					10		

&lt;210&gt; 7

&lt;211&gt; 6

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Variant of Factor X activating site

&lt;400&gt; 7

Val	Pro	Arg	Ile	Val	Gly
1				5	

&lt;210&gt; 8

&lt;211&gt; 6

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Variant of Factor X activating site

&lt;400&gt; 8

Val	Pro	Arg	Ile	Phe	Gly
1				5	

&lt;210&gt; 9

&lt;211&gt; 6

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Variant of Factor X activating site

&lt;400&gt; 9

Val	Pro	Arg	Ala	Val	Gly
1				5	

&lt;210&gt; 10

0598-068-EXT-SEQ.ST25

&lt;211&gt; 6

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Variant of Factor X activating site

&lt;400&gt; 10

Val Pro Arg Ile phe Arg  
1 5

&lt;210&gt; 11

&lt;211&gt; 6

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Variant of Factor X activating site

&lt;400&gt; 11

Val Pro Arg Ser Val Gly  
1 5

&lt;210&gt; 12

&lt;211&gt; 6

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Variant of Factor X activating site

&lt;400&gt; 12

Val Pro Arg Ser phe Arg  
1 5

&lt;210&gt; 13

&lt;211&gt; 30

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

## 0598-068-EXT-SEQ.ST25

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 13

acgcgcatcc gcgatggggc gcccactgca

30

&lt;210&gt; 14

&lt;211&gt; 68

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 14

tccccgggg gatcagttca ggtcttcctc gctgatcagc ttctgctcct ttaatggaga

60

ggacgtta

68

&lt;210&gt; 15

&lt;211&gt; 21

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 15

tatgcgtggg ctggagcaac c

21

&lt;210&gt; 16

&lt;211&gt; 22

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 16

ttattaggac aaggctggtg gg

22

&lt;210&gt; 17

&lt;211&gt; 21

0598-068-EXT-SEQ.ST25

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 17

cttcccatca atgagccgcg g

21

&lt;210&gt; 18

&lt;211&gt; 42

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 18

ccgcggctca ttgatgggaa ggatggcgac cagtgtgaga cc

42

&lt;210&gt; 19

&lt;211&gt; 48

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 19

aggggcgaca acaacgtgcc taggatcgtg ggcggccagg aatgcaag

48

&lt;210&gt; 20

&lt;211&gt; 48

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 20

cttgcatcctc tggccgcca cgatcctagg cacgttggtg tcgcccct

48

## 0598-068-EXT-SEQ.ST25

&lt;210&gt; 21

&lt;211&gt; 48

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 21

aggggcgaca acaacgtgcc taggatcttc ggcggccagg aatgcaag

48

&lt;210&gt; 22

&lt;211&gt; 48

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 22

cttgcatctc tggccgccga agatcctagg cacgttggtg tcgcccct

48

&lt;210&gt; 23

&lt;211&gt; 48

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 23

aggggcgaca acaacgtgcc taggatcttc aggggccagg aatgcaag

48

&lt;210&gt; 24

&lt;211&gt; 48

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

## 0598-068-EXT-SEQ.ST25

<400> 24  
cttgcattcc tggcccctga agatcctagg cacgttggtg tcgcccct 48

<210> 25

<211> 48

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> PCR primer

<400> 25  
aggggcgaca acaacgtgcc taggagcttc aggggccagg aatgcaag 48

<210> 26

<211> 48

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> PCR primer

<400> 26  
cttgcattcc tggcccctga agctcctagg cacgttggtg tcgcccct 48

<210> 27

<211> 29

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> PCR primer

<400> 27  
caacgtgcct aggagcgtgg gcggccagg 29

<210> 28

<211> 29

<212> DNA

<213> Artificial sequence



## 0598-068-EXT-SEQ.ST25

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 28

cctggccgcc cacgctccta ggcacgttg

29

&lt;210&gt; 29

&lt;211&gt; 55

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 29

cctgagaggg gcgacaacaa cgtgcctagg gccgtgggcg gccaggaatg caagg

55

&lt;210&gt; 30

&lt;211&gt; 55

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; PCR primer

&lt;400&gt; 30

ccttgcatc ctggccgcc acggccctag gcacgttggt gtcgcccctc tcagg

55

&lt;210&gt; 31

&lt;211&gt; 6

&lt;212&gt; PRT

&lt;213&gt; Artificial sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Variants of Factor X activating site

&lt;220&gt;

&lt;221&gt; MISC\_FEATURE

&lt;222&gt; (1)..(1)

&lt;223&gt; Xaa= Ala, Cys, Phe, Gly, His, Ile, Lys, Leu, Met, Asn, Gln, Arg, Ser, Thr, Val, Trp ou Tyr

0598-068-EXT-SEQ.ST25

&lt;220&gt;

&lt;221&gt; MISC\_FEATURE

&lt;222&gt; (5)..(5)

&lt;223&gt; Xaa= Val, Ile, Leu ou Phe

&lt;220&gt;

&lt;221&gt; MISC\_FEATURE

&lt;222&gt; (6)..(6)

&lt;223&gt; Xaa= Gly, Asn ou His

&lt;400&gt; 31

Xaa Pro Arg Ala Xaa Xaa  
1 5